Введение Присутствие различных форм несвязанной воды в исследуемых образцах меняет как состояние и активность микробиологической системы (МБС) [1], так и методики получения и интерпретации данных ЯМР-релаксо-метрии [2]. Это особенно существенно для иссле-дований микробиологических препаратов, содержа-щих свободную воду в количествах, подавляющих полезный сигнал ЯМР от микроорганизмов (МКО) и связанных с ними молекул воды. Поэтому одним из способов повышения информативности релаксацио-нных методик в исследованиях разбавленных мик-робиологических препаратов является их обезвожи-вание в пределах, при которых эта процедура лишь несущественно искажает структурно-динамическое и функциональное состояние данной МБС. Отсюда возникает необходимость в предварительном анализе характера воздействия физико-механических факторов (центрифугирования и сушки при повышенных темпера-турах), используемых для концентрирования водных суспензий, на структурно-динамическое состояние микро-организмов в составе микробиологических препаратов и соответствующие им параметры ЯМР. Экспериментальная часть Дрожжевой препарат (содержавший 3 грамма дрожжей Saccharomyces cerevisiae (раса 509), используемых в хлебопекарной промышленности, на литр воды) цент-рифугировали при частотах вращения n1 = 3000 и n2 = 6000 oб/мин (центрифуга OПH-8) в течение 5 - 20 минут, после чего удалялась надосадочная жидкость (≥ 90% первоначального объема). При проведении струк-турно-динамического анализа МБС в качестве опор-ных меток использовались дистиллированная вода и дрожжевая масса (размороженная, но не обезвожен-ная музейная культура дрожжей) [3]. Все релаксационные измерения проводились при комнатных температурах (23±20C) на резонанс-ной частоте 19 МГц. Длительность 90о-ного им-пульса в протонном датчике лабораторного ЯМР-релаксометра составляла 3,5 мкс, время парализации (нечувствительности) приемо - передающего тракта - 7 мкс. Времена продольной ядерной магнитной релаксации (Т1) находились из инвертированных кривых восстановления намагниченности, представ-ляющих собой огибающие амплитуд, получаемых методом автоматизированной (бегущей) импульс-ной последовательности (БП) 180o - т -[90o- 2т -]n. Определение времен поперечной релаксации (Т2) осуществлялось из спадов намагниченности, как наблюдаемых после 90о-ного импульса (из спадов свободной индукции (ССИ)), так и построенных в виде огибающих точек, полученных после прохож-дения последовательности Карра-Парселла-Мейбума-Гилла (КПМГ) [2]. При этом вычисление релаксационных параметров из кривых восстанов-ления продольной или спадов поперечной намагни-ченности (СПН), полученных с помощью мульти-импульсных последовательностей, проводилось по стандартным процедурам в экспоненциальном приближении, а из неэкспоненциальных начальных участков релаксационных спадов или из полностью неэкспоненциальных ССИ - по времени уменьшения амплитуды

сигнала в е раз. Для определения коэф-фициентов молекулярной диффузии (D) использо-валась методика ЯМР ИГМП (ЯМР с импульсным градиентом магнитного поля) [4] с максимальной амплитудой градиента 0,2 Тл/м. Число накоплений (NS), в зависимости от методики измерения и амплитуды сигнала ЯМР, варьировалось от NS = 4 (БП, ИГМП, КПМГ) до NS = 400 (ССИ). Задание условий эксперимента и обработка эксперименталь-ных данных (включая накопление сигналов ЯМР) осуществлялись с помощью ЭВМ. Результаты и их обсуждение Из рис. 1а видно, что вследствие низкой концен-трации МКО в дрожжевом препарате (ДП) значения релаксационных параметров ДП и водного дистиллята, использованного для его получения, оказались прак-тически одинаковыми $(T1(\Pi\Pi) = 2.50 \text{ c}, T1(H2O) = 2.51 \text{ c}; T2(\Pi\Pi) = 1.72 \text{ c}, T2(H2O) = 1.71 \text{ c}), HO$ закономерно отли-чающимися от значений для дрожжевой массы (ДМ): T1(ДM) =0.12 с, T2(ДМ) = 0.036 с. В то же время диффу-зионная подвижность молекул Н2О в присутствии малого количества твердофазных частиц (МКО) оказалась выше, чем в их отсутствие (D(ДП) = $2.4 \times 10-9 \text{ м2/c}$, D(H2O) = $1.5 \times 10-9 \text{ м2/c}$, и близкой к литературным данным для дрожжей (D = 2×10 -9 м2/c [5]). Времена продольной ЯМР-релаксации (рис. 1a) пасты (то есть осадка, полученного после центри-фугирования дрожжевого препарата) в исследован-ном диапазоне условий центрифугирования практи-чески не зависят от частоты вращения центрифуги (n) и числа ее оборотов (N), при этом T1 пасты $(1,1\pm0,15\ c)$ минимум вдвое меньше значений T1 как дрожжевого препарата до центрифугирования, так и T1 молекул индивидуальной («свободной») воды (\sim 2,5 с). Отмеченные закономерности можно объяс-нить изменением соотношения компонентов в микробиологической системе (МБС) после удаления из нее надосадочной жидкости, когда содержание твердой (осадочной) фазы (МКО) в образцах возрастает не менее, чем на порядок (от ~ 3 %% до 3% вес. и более). С другой стороны, значения T1 пасты на порядок больше T1 дрожжевой массы (0,12 c). Поэтому наблюдаемые соотношения между време-нами продольной релаксации в первом приближе-нии соответствуют быстрому обмену молекулами и(или) протонами [6 - 8] между молекулами воды в свободном состоянии и молекулами, заторможен-ными в результате взаимодействия с биомассой. Анализ времен поперечной ядерной магнитной релаксации Т2 и коэффициентов молекулярной диф-фузии D микробиологической системы позволяет получать более детальную информацию о струк-турно-динамическом поведении компонентов МБС (то есть о характере упаковки и относительных пере-мещений протоносодержащих структур в областях меньшего, чем в случае Т1, микроскопического масштаба, но в более широком диапазоне спектра времен (частот) корреляции). При увеличении числа оборотов центри-фуги N до 15000 (рис. 1) в пастах выделяются две области: первая, коэффициент диффузии которой (D2) на порядок меньше D индивидуальных (свобод-ных) молекул воды (D(H2O)), и вторая область, для которой характерно значение D1, в полтора раза

превосходящее значение D(H2O) и близкое к коэф-фициенту диффузии исходного ДП. Последнее обстоятельство обусловлено разрушением и(или) перестроением сетки водородных связей, образу-емой водной средой суспензии, под воздействием твердоподобных частиц МКО [6 - 8]. Данные о поперечной релаксации (рис. 1) подтверждают возникновение в концентрированном Рис. 1 -Зависимость ЯМР параметров пасты дрожжевого препарата от числа оборотов центрифуги N при различной частоте ее вращения (n1 = 3000 об/мин (), n2 =6000 об/мин ()) по данным поперечной релаксации () и диффузионной методики (). Значок с более затемненным полем описывает менее подвижную СД фазу. Прерывистые линии соответствуют ЯМР параметрам указанных на рисунке компонентов МБС; а - времена релаксации Тјі (левая шкала) и коэффициенты диффузии Di (правая шкала); б – населенности ЯМР фаз осадке двух неоднородных по молекулярной под-вижности структурно-динамических (СД) областей («фаз» [7]). Они описываются не только различными коэффициентами диффузии в них, но и временами релаксации Т21 и Т22 (рис. 1а), а также населен-ностями (рис. 16) различных компонент СПН (то есть соотношением числа протонов в СД фазах, которое может быть определено по форме как релаксационного (P21 и P22), так и диффузионного (Pd1, Pd2) сигнала [2, 4 - 8]). При этом единое время Т1 можно считать признаком отсутствия макроскопически выделенных фаз (с относительно фик-сированной (устойчивой) границей (поверхностью) раздела с линейными размерами ≥ 103 Å (10-7м)) в системе [6] (что неудивительно для МКО с раз-мерами $\sim 5 \times 10$ -6 м [1]), а неоднородность параметров поперечной релаксации свидетельствует о формировании различных СД – областей микроскопичес-кого масштаба по всему объему образца. Расслоение по релаксационным параметрам наблюдается начиная с N = 15000 оборотов, когда значение коэффициента эффективной диффузии в пасте совпадает с величиной D(H20), а времена ее поперечной релаксации минимальны. При N = 30000 об. значения населенностей, полученных по релак-сационной и диффузионной методикам, практи-чески одинаковы (P2i ≈ Pdi). Но с ростом интен-сивности и времени центрифугирования (n и N) постепенно увеличивается доля заторможенной СД фазы (P22, Pd2), и, соответственно, уменьшается количество более мобильных протонов (P21, Pd1), причем подвижность протоносодержащих компо-нентов в обеих фазах непрерывно возрастает (T2i(N), Di(N)). Характерно, что при N = 30000 об. значение D1 для n1 сравнивается с величиной соответст-вующего параметра для исходного ДП, не подверг-нутого центрифугированию, а молекулярная подвижность той же пасты усредняется по объему (общее (единственное) время Т2). В итоге затормо-женная фаза как бы «поглощает» более подвижную фазу, остатки которой, судя по значениям T21 при N ~ 120000 об., стремятся к плато T1(N) и величине T2 для дистиллированной воды. Одновременно пара-метры заторможенной фазы при $N \sim 120000$ об. приближаются к уровню подвижной

фазы при значениях N ≤ 15000 об., соответствующих началь-ному этапу структурно-динамического расслоения МБС. Таким образом, после резкого перераспреде-ления масштаба фаз (P2i, Pdi) в интервале 15000 ≤ N ≤ 30000 и плавного завершения этого процесса при 30000 N ≤ 60000 об., в области N > 60000 об. наблюдается явление, аналогичное (но не эквива-лентное!) инверсии фаз. По-видимому, на опреде-ленной стадии центрифугирования происходит пре-образование «фазовой» организации МБС, причем не только структурнодинамической (магнитно-резонансной [6 - 8]), но и в предельном случае термодинамической. Для дальнейшего анализа этой ситуации обратимся к особенностям поведения функции T2(1)(N), которая, в отличие от T22(N), не строго линейно зависит от времени и скорости вращения центрифуги (N и n соответственно). Кроме того, значения населенностей P22 растут симбатно N, а начальные значения T21(N), как и времен T1, приблизительно соответствуют быстрому протон-ному обмену между молекулами воды в свободном и связанном с МКО состоянии. Это позволяет объяснить дальнейший рост T2i(N) при увеличении интенсивности (n) и длительности (N) механичес-кого воздействия на ДП изменением режима (меха-низма и(или) масштаба) обменных процессов [5 - 9] между неэквивалентными молекулами Н2О, а не влиянием магнитнорезонансных факторов, напри-мер, уменьшением концентрации в выделенных осадках (пастах) парамагнитных примесей (молекул и радикалов кислорода, ионов железа, марганца, и так далее [2, 8, 9]). При этом, как показали исследования интенсивности протонного обмена и зависимости времен Т2 от рН среды [10, 11], под-вижность молекул воды зависит от характера (пере)распределения водородных связей, что может быть обусловлено, в том числе, присутствием твер-дой поверхности МКО и ее особенностями. Кроме того, известно, что разрыв водородных связей ведет к падению Т2 (вследствие уменьшения времени жизни протона в составе Н - связи), но несущест-венно влияет на T1 и диффузию. Однако с изме-нением концентрации воды в системе меняются скорости обменных процессов [7 - 9]. Тогда неза-висимость T1 от параметров (интенсивности и времени) центрифугирования (n и N) в случае преимущественного вклада диполь-дипольного механизма в процесс продольной релаксации может быть связан с конкуренцией различных СД факторов, например, с ростом ширины спектра вре-мен корреляции молекулярной подвижности (↓ T1) на фоне падения скорости обменных (межмолеку-лярных и(или) межпротонных) процессов в системе (↑ T1). Кроме того, форма кривых P22 (N) при N \leq 60000 об. аналогична типичной кривой зависимости веса образовавшегося осадка от времени центрифугирования МБС [3]. В совокупности это позволяет предположить, что по мере центрифу-гирования происходит ослабление интенсивности обменных процессов, обусловленное нарастанием плотности твердоподобного осадка суспензии и соответствующим снижением поверхности для обменных протонных и(или) молекулярных потоков. Однако

дальнейший (N > 60000) рост релаксационных параметров более заторможенной фазы (T22(N), P22(N)) не может быть обусловлен только процессами образования и(или) уплотнения осадка, уже проявившим себя на начальном этапе. Известно, что в системах, находящихся в центробежном поле в состоянии равновесия (то есть при n = const), концентрация растворенного вещес-тва увеличивается пропорционально радиусу враще-ния (расстоянию от оси центрифуги), а градиент концентрации растет пропорционально ~ n2 [12]. В результате при больших частотах вращения n и ма-лых концентрациях твердофазных компонентов в суспензии большинство твердых частиц достаточно быстро окажутся «размазанными» тонким слоем по значительной поверхности ротора центрифуги, образуя подобие «фильтрующего» слоя, давление на поверхность которого (т.е. на клеточные стенки МКО) способно достигать 10-15 атм. [13, 14]. Тогда наблюдаемые при $\mathsf{N} > 60000$ закономерности можно связать не только с явлениями протонного и моле-кулярного обмена по диффузионному механизму в пределах и между компонентами гетерогенной МБС (что являлось основным СД фактором при $N \leq 60000$), но и с нарастанием в спектре молекулярной подвижности вклада от направленного (конвектив-ного) движения молекул воды через клеточные стенки МКО [15, 16] вплоть до установления опре-деленного уровня подвижного равновесия микро-потоков в обоих направлениях. В этом случае следует ожидать постепенного насыщения клеток микроорганизмов избыточной для их физиологии водой (начиная с периплазматического пространства) и роста внутреннего давления (тургора) в замкнутом внутриклеточном пространстве. Отсюда эволюция дрожжевого препарата под воздействием центробежной силы может быть описана как прохождение следующих условных СД интервалов: I - область разгона (формирования осадка) МКО (0 N \leq 15000), II область концентрирования осадка (15000 N ≤ 60000), III - область набухания МКО (N > 60000). На первом этапе происходит разгон консор-циума микроорганизмов дрожжевого препарата (то есть диспергирование твердофазной компоненты суспензии и ее концентрирование на поверхности ротора центрифуги), что при N = 15000 закан-чивается формированием СД фаз двух типов - водных и водосодержащих. Предположительно фазы второго типа представляют собой отдельные мелкодисперсные агломераты (микроконсорциумы) микроорганизмов с молекулами воды, адсорбиро-ванными и на внешней, и на внутренней поверхности клеточной стенки (последние формаль-но можно считать абсорбированными в пределах КС), которые через клеточную стенку достаточно быстро взаимодействуют друг с другом и с прото-плазмой клетки, в совокупности образуя менее подвижную ЯМР-фазу (описываемую параметрами T22, P22, D2, Pd2). Одновременно по мере концентри-рования осадка в пределах агломератов локали-зуются молекулы воды, образующие между слоями микроорганизмов подобие подвижного порового пространства (водонаполненные пороподобные про-слойки). При этом «поровая» вода

контактирует с формально несвязанными (но по крайней мере сте-рически ограниченными) молекулами воды (условно «свободной» водой). Отсюда к СД фазам первого типа следует отнести и «поровую», и «свободную» воду, молекулы которых также относительно быстро взаимодействуют друг с другом и в сово-купности образуют более подвижную ЯМР-фазу (описываемую параметрами T21, P21, D1, Pd1). Кроме того, фазы обеих типов взаимодейст-вуют (обмениваются молекулами Н2О и(или) прото-нами в их составе) друг с другом с переменной ско-ростью, зависящей от параметров центрифугирова-ния ДП. В области разгона соответствующая ско-рость обмена внутри ассоциированных фаз неболь-шого размера максимальна, а между ними - мини-мальна, вследствие чего наблюдаемые времена ре-лаксации также минимальны, а населенности, хотя и не совпадают, но достаточно близки к истинному составу фаз различного типа (Р21 и Р22) [6 - 8]. В об-ласти концентрирования осадка (15000 N ≤ 60000) с ростом интенсивности и времени центрифуги-рования (N и n) размеры агломератов МКО увели-чиваются вследствие уплотнения порового прос-транства, а поверхность контакта водных и водо-содержащих фаз соответственно сокращается, в результате чего скорость обмена падает как внутри, так и между микрофазами. Это приводит к наблю-даемому росту времен релаксации и сближению значений населенностей («обобществлению») фаз различного типа [6 - 8]. Однако при N > 60000 (в области набухания) ситуация качественно меняется: наблюдаются также две, но, исходя из их предистории, более сложные по составу СД фазы. Поскольку процедура изме-рения проводилась уже после центрифугирования, то дополнительное значительное изменение СД параметров (Т2і, Р2і), наблюдаемое после завершения процесса нарастания веса (насыщения) осадка ($N \le 60000$), не может определяться только мгновенным действием центробежной силы, которое прекра-щается после остановки центрифуги. Оно должно быть связано, как и насыщение осадка, со структурно-динамическими последствиями дейст-вия центробежной силы например, с результатами механического воздействия на поверхность контакта твердой и жидкой фаз. Тогда, для согласования экспериментальных данных, необходимо предполо-жить, что дальнейший рост СД параметров при N > 60000 должен быть обусловлен продолжающимся поглощением воды клетками микроорганизма [17], равновесный уровень которого определяется свойст-вами клеточной стенки и параметрами центрифуги-рования (n и N), а также геометрическими и гидрав-лическими характеристиками порово-клеточного канала («трубопровода»), формирующегося под воздействием центробежной силы. Модель центрифугирования дрожжевого препарата Таким образом, феноменологическая картина (модель) центрифугирования выглядит следующим образом. Под первоначальным воздействием цент-робежных сил не только формируется и уплотняется твердотельный осадок, но и в каждом МКО в сос-таве осадка возникает внутриклеточное давление (тургор), сжимающее

содержимое клетки (прото-пласт) и создающее относительный вакуум у внутренней поверхности клеточной стенки, при одновре-менном нарастании (симбатно n) внешнего давления на нее со стороны свободных молекул H2O в сус-пензии. В результате в интервале 15000 N ≤ 60000 об. создаются условия не только для насыщения осадка, но и для принудительного повышения концентрации воды в МКО за счет освободившегося внутриклеточного пространства. На фоне центро-бежной силы это приводит к дополнительному рос-ту внутриклеточного давления, что способствует инициации процесса разрушения КС. На заключительном этапе (при N > 60000) на фоне продолжающегося набухания происходит дальнейшее разрушение клеточной стенки и образование в ней крупномасштабных дефектов (дыр), что способно со временем привести по крайней мере к частичной потере ее способности выполнять функции структурно-динамического барьера между клеткой и внешней средой. В результате по мере разрушения КС насыщение клеток водой прекращается и инициируется обрат-ный поток, состоящий из внутриклеточной воды и содержащихся в ней различных компонентов прото-пласта (белков, липидов, нуклеиновых кислот, олиго-(поли)сахаридов, и т.д.), которые и образуют разнообразные по подвижности ассоциаты с молекулами поровой, вытекшей внутриклеточной и(или) свободной воды. Именно эти закономерности проявляются и закрепляются в виде роста значений Р22 и соответствующего падения Р21. Полученные результаты могут быть полезны при анализе состояния и функций любых подверг-нутых процедуре центрифугирования микробио-логических систем [18-20].